amelieff
A Member of PHC Group

キャンペーン期間：2026/10/13(火)～2027/3/16(火)

Amelieff Quick Start Package™

自分で始めるオミクス解析ソフトウエア

解析スタート応援キャンペーン

特典 1
初期導入サポート

インストールの支援から操作方法のレクチャーまで、WEBミーティングでご説明します。解析に慣れていない方でも安心してスタートできます。

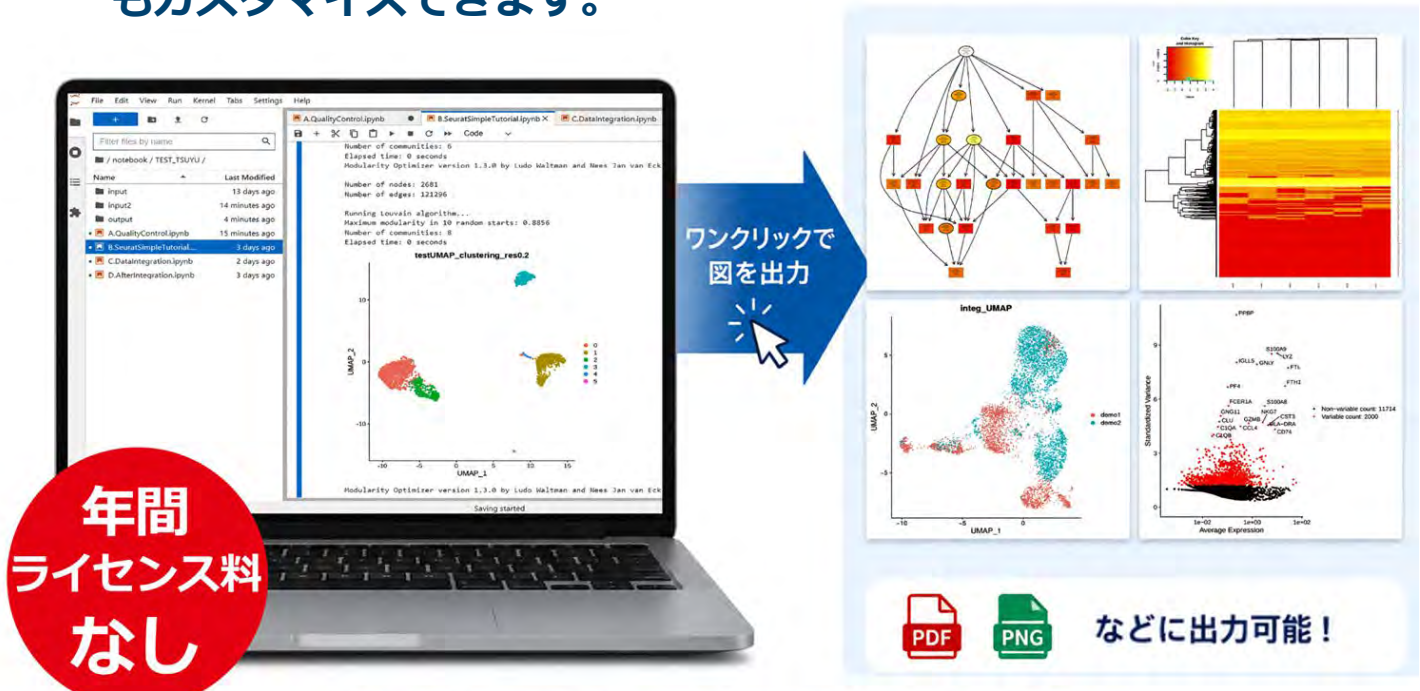
特典 2
テクニカルサポート

導入後1ヶ月間、基本操作や解析環境のお困りごとをメールでサポートいたします。さらにご自分のデータを解析される際のエラーに関してもご相談いただけます。

特典 3
チケットサポート

プロトコルの軽微なカスタマイズにご利用いただけるチケットを1枚プレゼント。図の追加・変更、解析結果の相談、リファレンスゲノムの追加などに対応可能です。

Quick Start Package™なら、マウス操作で解析をスタート！
必要な解析プロトコルを導入でき、研究にあわせて条件や可視化もカスタマイズできます。



年間
ライセンス料
なし

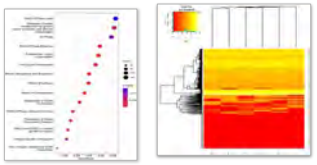
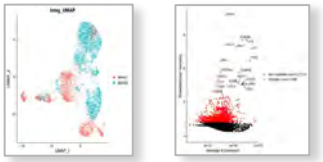
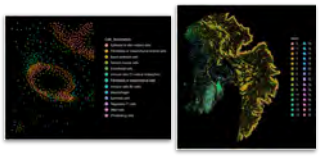
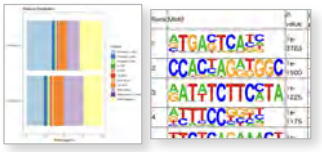
論文・発表資料・レポート作成にそのまま活用！

オンラインデモ特典でバイオインフォマティクス概論動画が無料視聴できます！

解析ラインナップやキャンペーン詳細は、裏面をご覧ください

Quick Start Package™ 解析スタート応援キャンペーン

■解析プロトコル一覧

解析プロトコル	解析概要	パッケージ	作図イメージ	価格（税抜）
RNA-seq解析	・発現定量 ・主成分分析,階層的クラスタリング ・発現変動遺伝子の検出 ・二群間比較解析 ・Gene Ontology解析 ・パスウェイエンリッチメント解析	FastQC, PRINSEQ, Trimmomatic, STAR, featureCounts, edgeR,EnhancedVolcano, ReactomePA		30万円
シングルセルRNA-seq解析	・次元削減とクラスタリング ・高発現遺伝子の同定 ・Feature plot 作図 ・Gene Ontology解析,パスウェイ解析 ・全クラスターに置ける二群間発現比較 ・擬似系譜解析	Seurat, EnhancedVolcano, ReactomePA, monocle3		30万円
空間的遺伝子発現解析	・QC ・次元削減とクラスタリング ・細胞種同定 ・マーカー遺伝子発現量可視化 ・着目領域の抽出	Seurat, Seaborn, UMAP, t-SNE		60万円
ATAC-seq解析	・ピーク検出・ピークアノテーション ・Coverage plot ・TSS Average profile plot ・パスウェイ解析 ・結合モチーフ探索	FastQC, Trimmomatic, Bowtie2, Samtools, MACS2, ChIPseeker, HOMER		30万円
WES遺伝性変異解析	・WESデータを用いたResq解析 ・QCからリファレンスゲノムへのマッピング,重複リードの除去 ・変異検出,フィルタリング,アノテーション ・IGVによる可視化	FastQC, BWA, GATK, SnpEff, Trimmomatic, IGV		30万円

※上記以外の解析プロトコルもご用意しています。研究内容・データに合わせてご相談ください。

■導入実績

【大　　学】国立大学（医学部・薬学部・農水産系学部・付属病院）、私立大学医学部
【研究機関】国立医学系・環境系研究機関、総合医療機関、民間研究機関
【民間企業】製薬メーカー、化学メーカー、バイオベンチャー

キャンペーン詳細

期間：2026/10/13(火)～2027/3/16(火)

オンラインデモ特典：バイオインフォマティクス概論動画
※トレーニングサービスで提供している動画を1週間視聴可能

ご購入特典：
①初期導入サポート
②テクニカルサポート（導入後1ヶ月間）
③チケットサポート（1枚）

※ 本チラシに記載されている会社名および商品名などは、各社の商号、または登録済みもしくは未登録の商標であり、これらは各所有者に帰属します。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社

〒108-0023
東京都港区芝浦 3-9-1
芝浦ルネサイトタワー 13階
publicity@amelieff.jp

https://amelieff.jp/enquiry/form_qsp_26o/